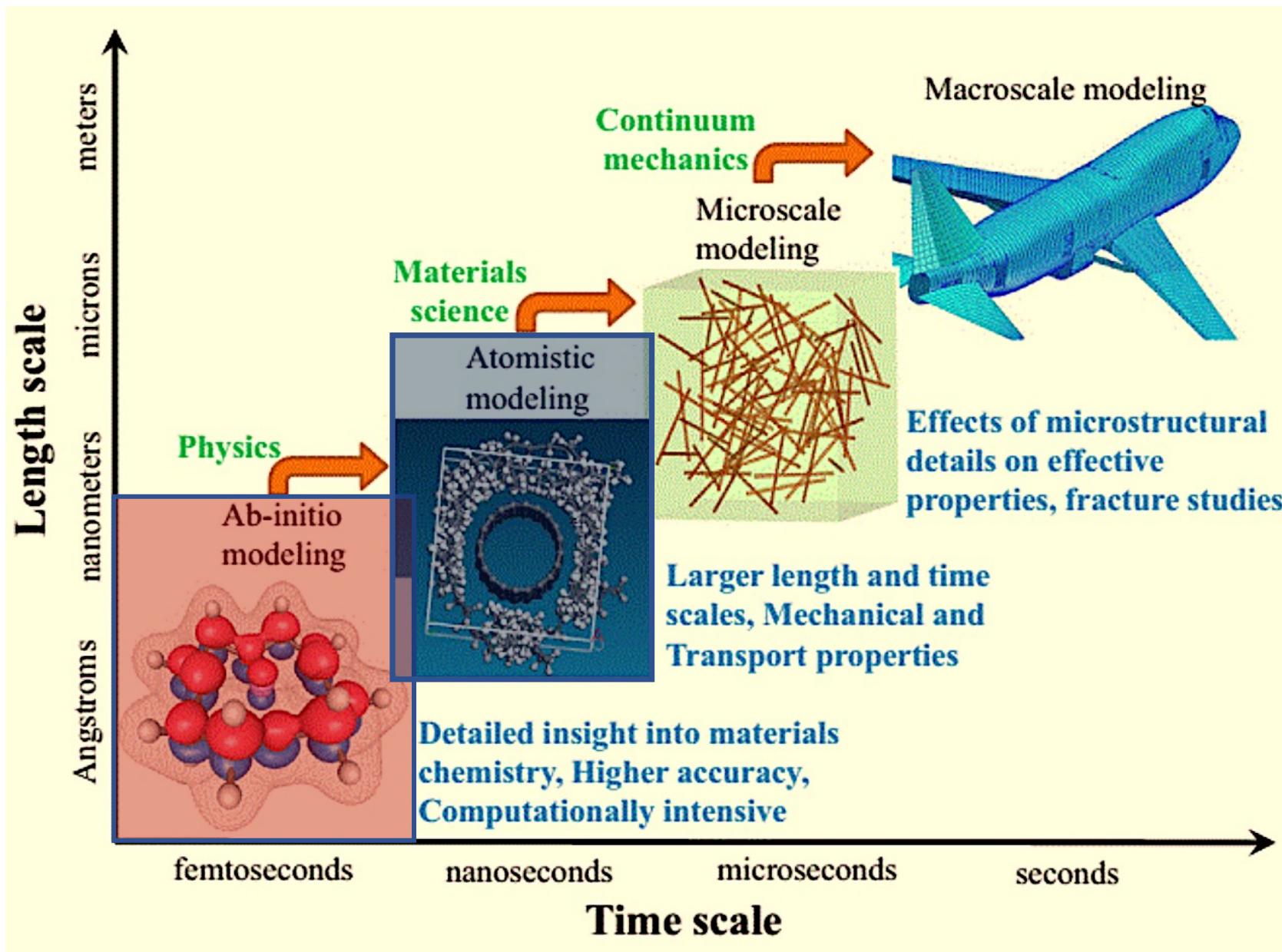


# Dinâmica Molecular



**Primeiros Princípios → Mecânica Quântica**

$$\hat{H}_{el}(R)\Psi_{el}(r; R) = E_{el}(R)\Psi_{el}(r; R)$$

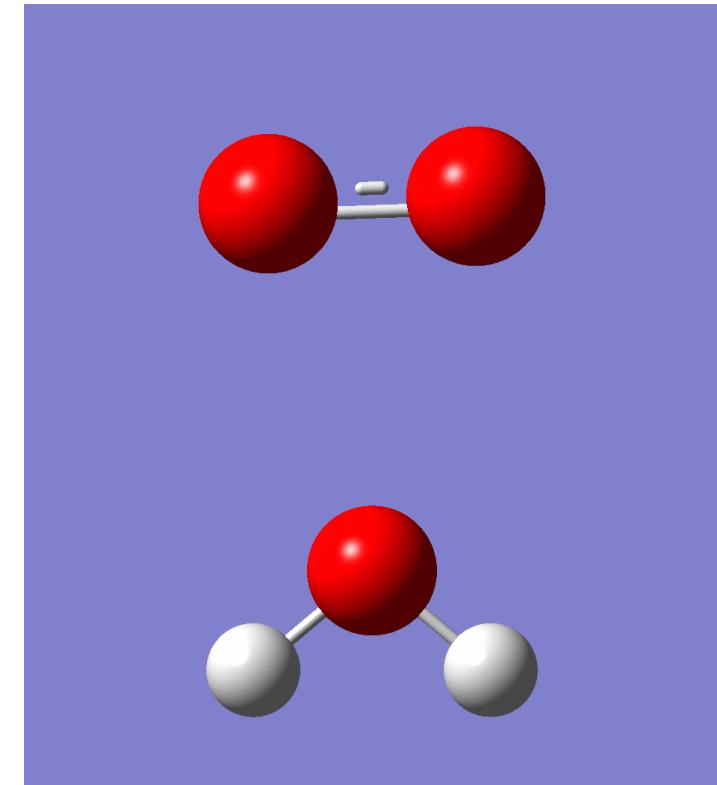
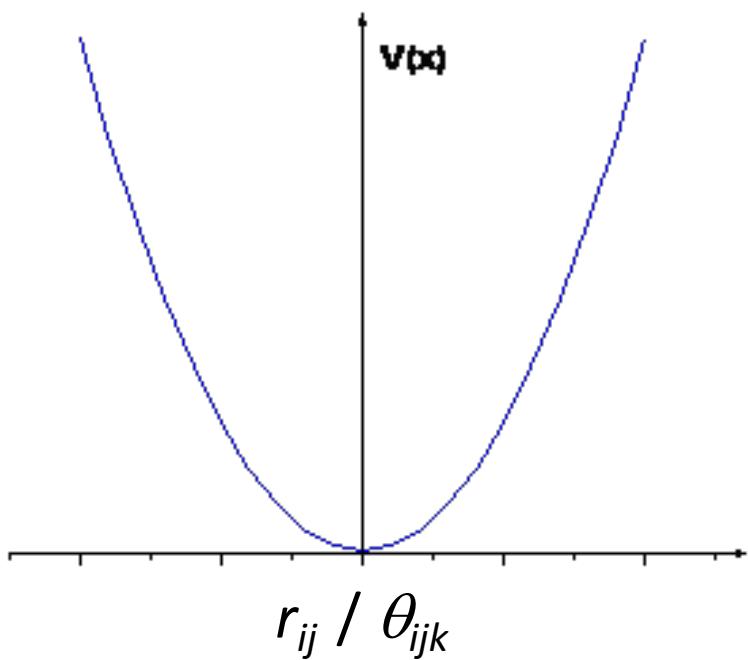
**Dinâmica Molecular (DM) → Física Clássica**

$$U = U_{\text{intra}} + U_{\text{inter}}$$

# Campo de Forças

$$U = U_{\text{intra}} + U_{\text{inter}}$$

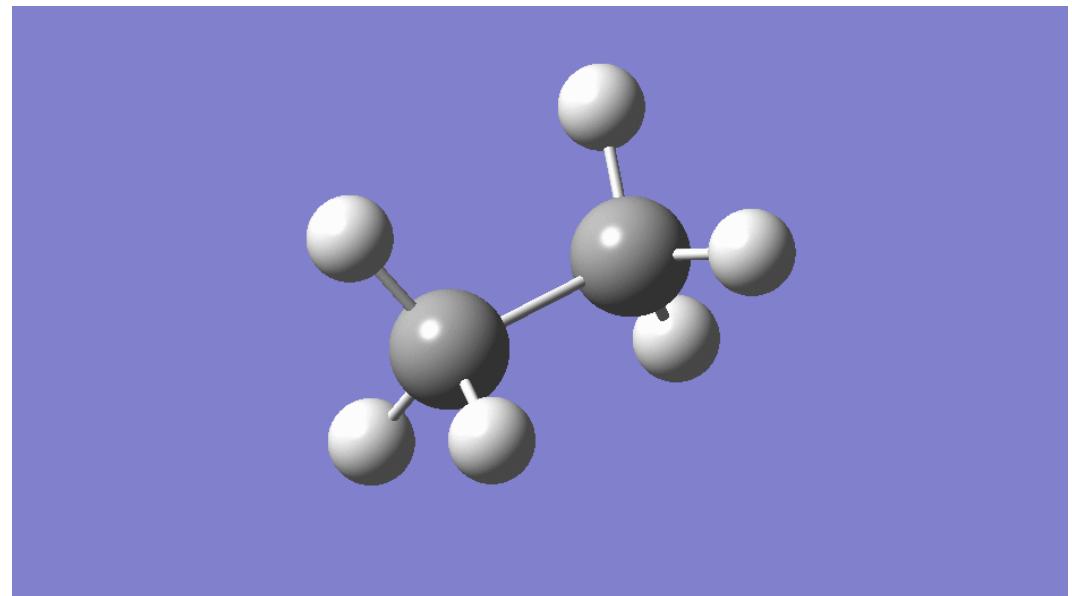
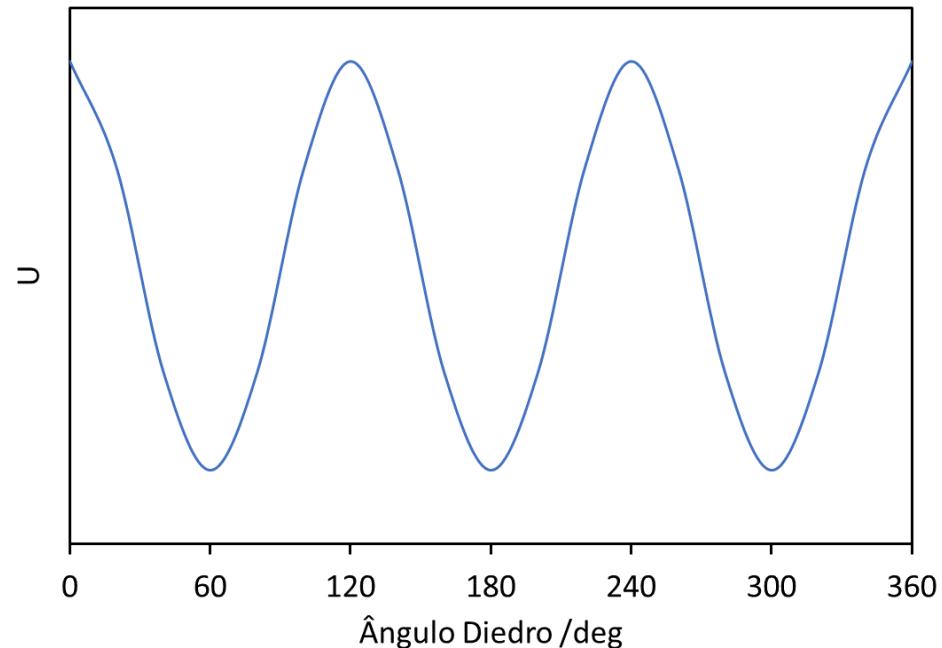
$$U_{\text{intra}} = \sum_{ij}^{\text{bonds}} \frac{k_{r,ij}}{2} \left( r_{ij} - r_{0,ij} \right)^2 + \sum_{ijk}^{\text{angles}} \frac{k_{\theta,ijk}}{2} \left( \theta_{ijk} - \theta_{0,ijk} \right)^2 + \sum_{ijkl}^{\text{dihedrals}} \sum_{n=1}^4 \frac{V_{n,ijkl}}{2} \left[ 1 + (-1)^n \cos(n\varphi_{ijkl}) \right]$$



# Campo de Forças

$$U = U_{\text{intra}} + U_{\text{inter}}$$

$$U_{\text{intra}} = \sum_{ij}^{\text{bonds}} \frac{k_{r,ij}}{2} \left( r_{ij} - r_{o,ij} \right)^2 + \sum_{ijk}^{\text{angles}} \frac{k_{\theta,ijk}}{2} \left( \theta_{ijk} - \theta_{o,ijk} \right)^2 + \sum_{ijkl}^{\text{dihedrals}} \sum_{n=1}^4 \frac{V_{n,ijkl}}{2} \left[ 1 + (-1)^n \cos(n\varphi_{ijkl}) \right]$$



# Campo de Forças

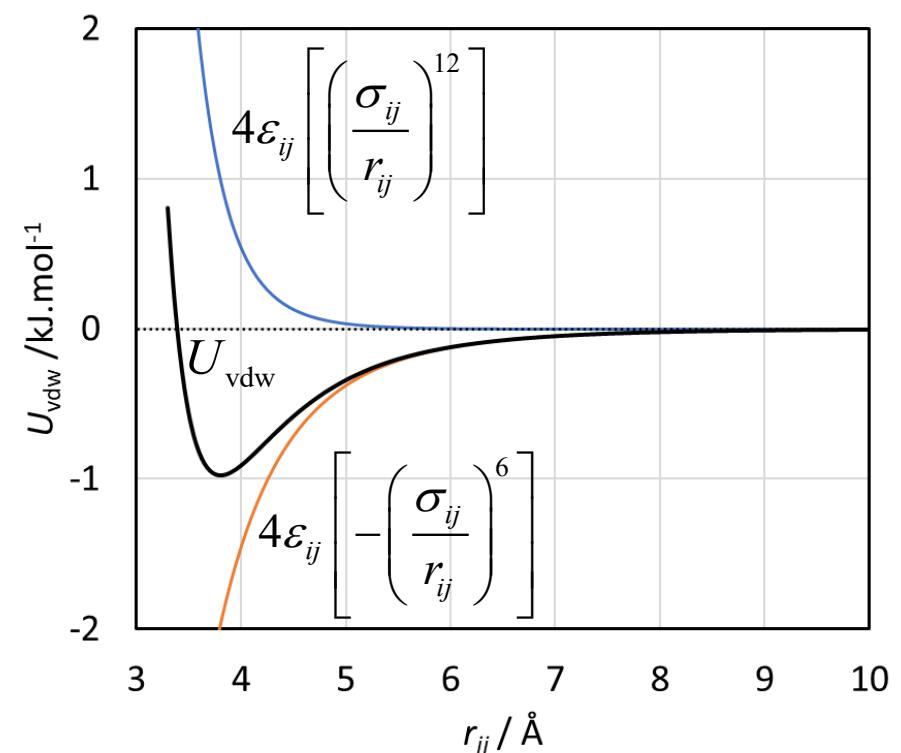
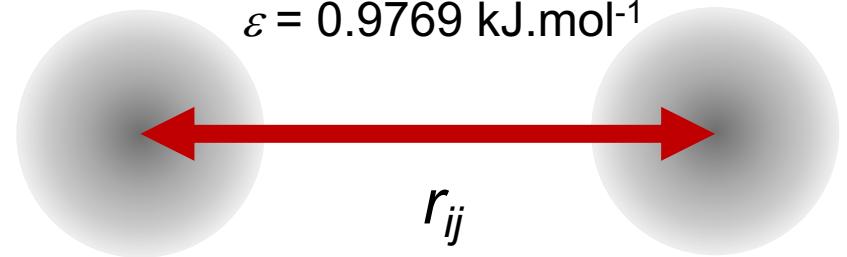
$$U_{\text{inter}} = U_{\text{vdw}} + U_{\text{coul}}$$

$$U_{\text{vdw}} = \sum_i \sum_{j>i} \left\{ 4\epsilon_{ij} \left[ \left( \frac{\sigma_{ij}}{r_{ij}} \right)^{12} - \left( \frac{\sigma_{ij}}{r_{ij}} \right)^6 \right] \right\}$$

Átomo de Árgon

$$\sigma = 3.39 \text{ \AA}$$

$$\epsilon = 0.9769 \text{ kJ.mol}^{-1}$$

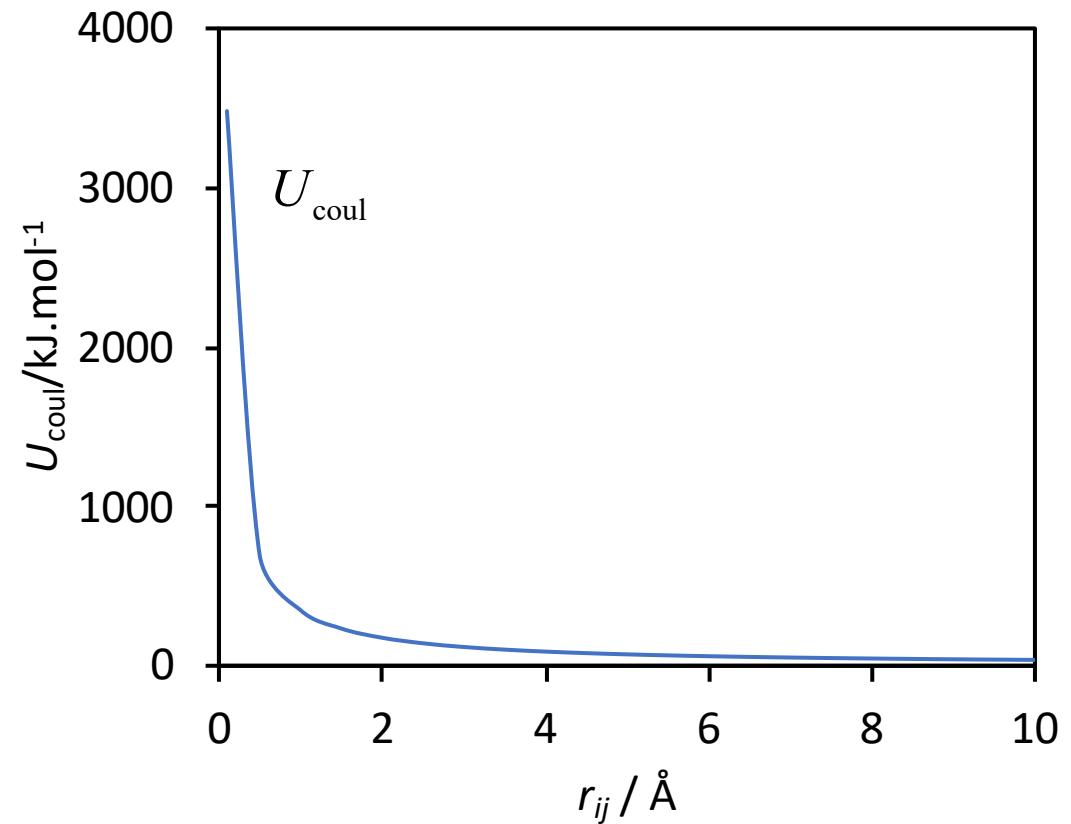
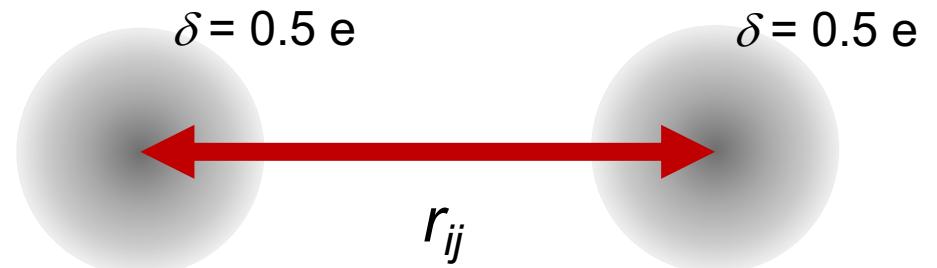


# Campo de Forças

$$U_{\text{inter}} = U_{\text{vdw}} + U_{\text{coul}}$$

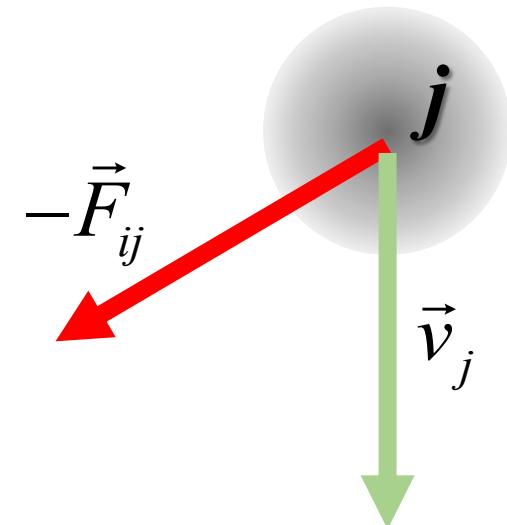
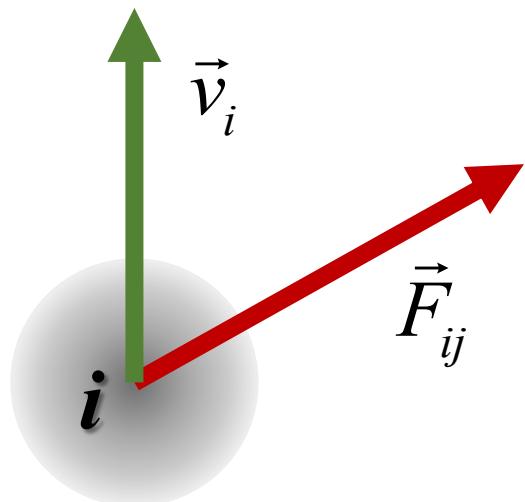
$$U_{\text{vdw}} = \sum_i \sum_{j>i} \left\{ 4\epsilon_{ij} \left[ \left( \frac{\sigma_{ij}}{r_{ij}} \right)^{12} - \left( \frac{\sigma_{ij}}{r_{ij}} \right)^6 \right] \right\}$$

$$U_{\text{coul}} = \sum_i \sum_{j>i} \frac{q_i q_j}{4\pi\epsilon_0 r_{ij}}$$



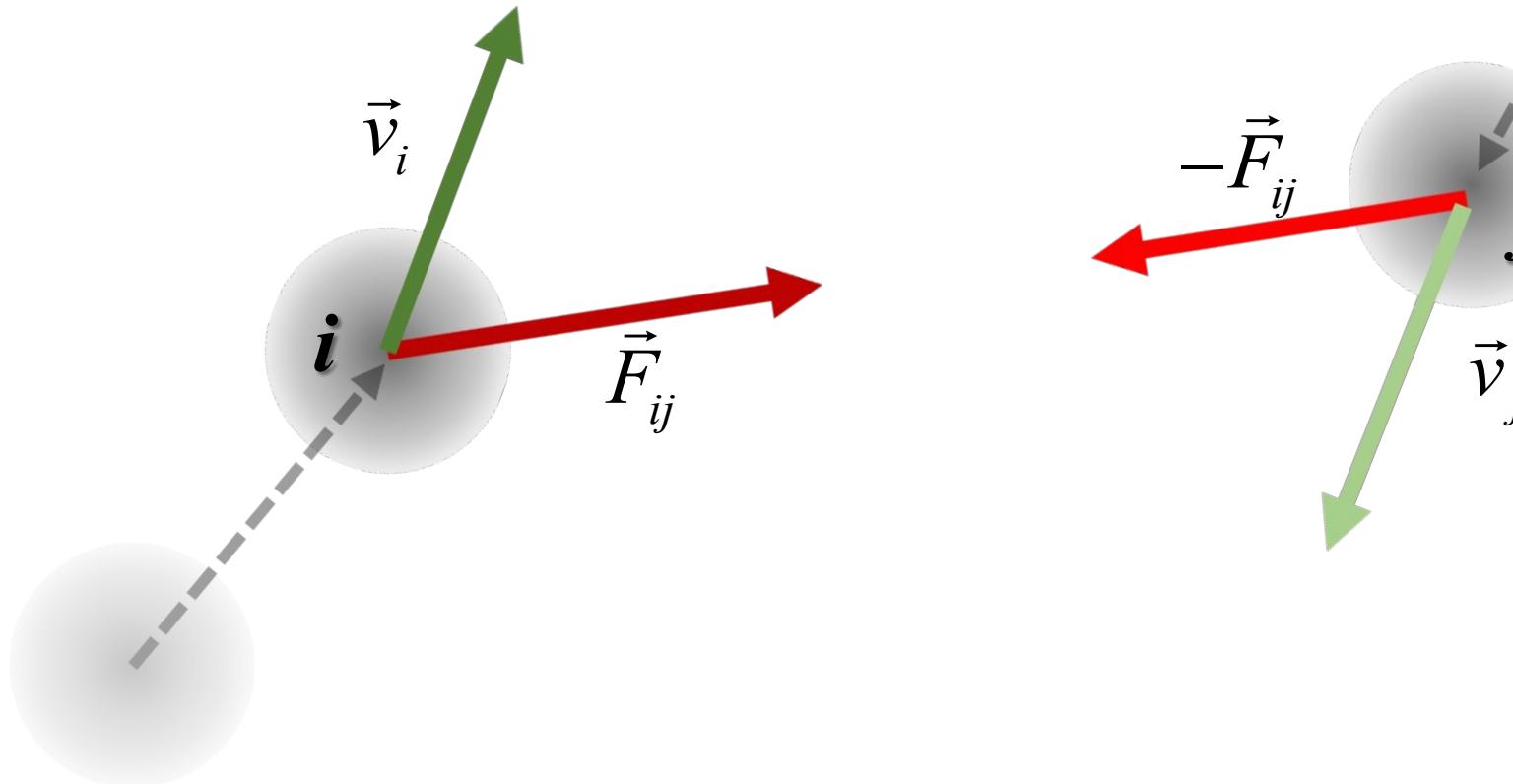
# Dinâmica!!!

$t = 0 \text{ fs}$



# Dinâmica!!!

$t = 2 \text{ fs}$



# Dinâmica!!!

Integração do movimento das moléculas (e.g. algoritmo Velocity Verlet - VV)

Assume que as posições, velocidades e forças de todos os átomos/partículas do sistema são conhecidas em cada passo.

1. Determina-se a velocidade das partículas em metade do tempo do passo:

$$\vec{v}(t + \frac{1}{2} \Delta t) \leftarrow \vec{v}(t) + \frac{1}{2} \Delta t \frac{\vec{F}(t)}{m}$$

2. Determina-se a posição após o tempo de passo:

$$\vec{r}(t + \Delta t) \leftarrow \vec{r}(t) + \Delta t \cdot \vec{v}(t + \frac{1}{2} \Delta t)$$

3. Determina-se a velocidade das partículas no final do passo:

$$\vec{v}(t + \Delta t) \leftarrow \vec{v}(t + \frac{1}{2} \Delta t) + \frac{1}{2} \Delta t \frac{\vec{F}(t + \Delta t)}{m}$$

# Cálculo da Força

$$\vec{F}_{ij} = -\frac{1}{r_{ij}} \left[ \frac{\partial}{\partial r_{ij}} U(r_{ij}) \right] \vec{r}_{ij}$$

$$U_{\text{vdw}} = \sum_i \sum_{j>i} \left\{ 4\epsilon_{ij} \left[ \left( \frac{\sigma_{ij}}{r_{ij}} \right)^{12} - \left( \frac{\sigma_{ij}}{r_{ij}} \right)^6 \right] \right\}$$

$$U_{\text{coul}} = \sum_i \sum_{j>i} \frac{q_i q_j}{4\pi\epsilon_0 r_{ij}}$$

# Caixa de Simulação



É impossível estudar um sistema molecular infinito.

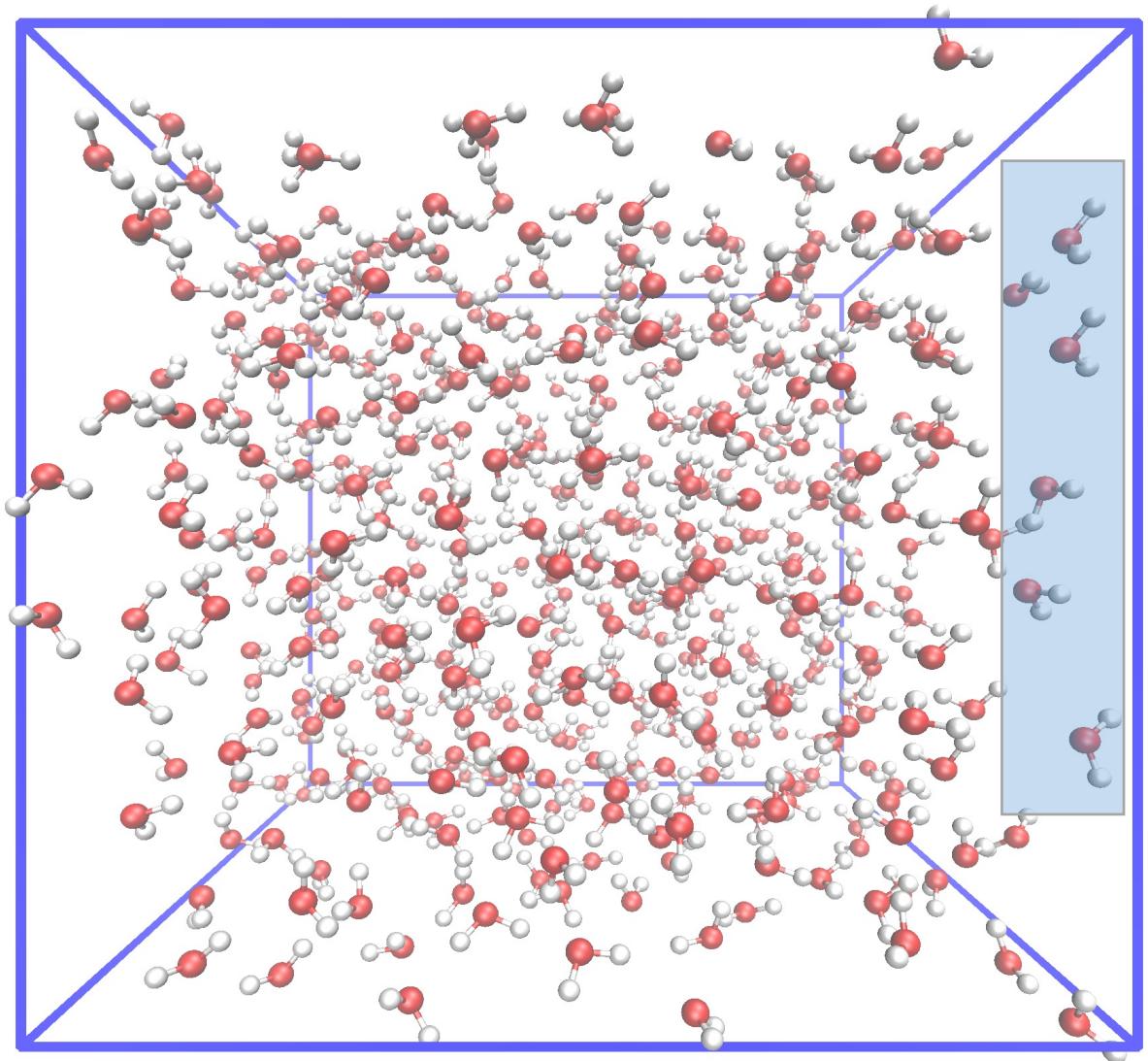


Caixa com 100 nm → ~45 000 000 átomos → 3 meses de cálculo

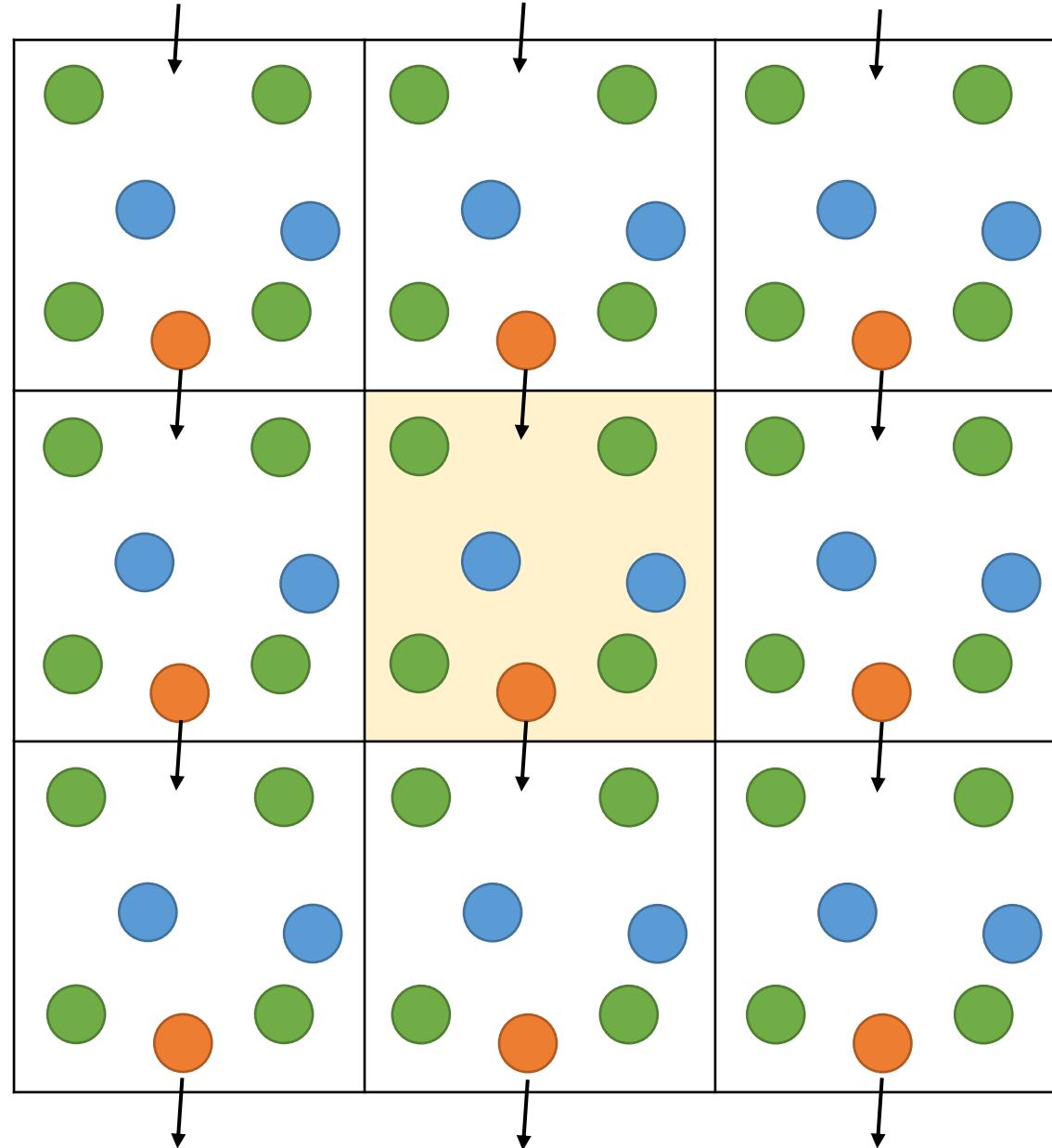


Esta deve ser ajustada às propriedades que se pretendem estudar.

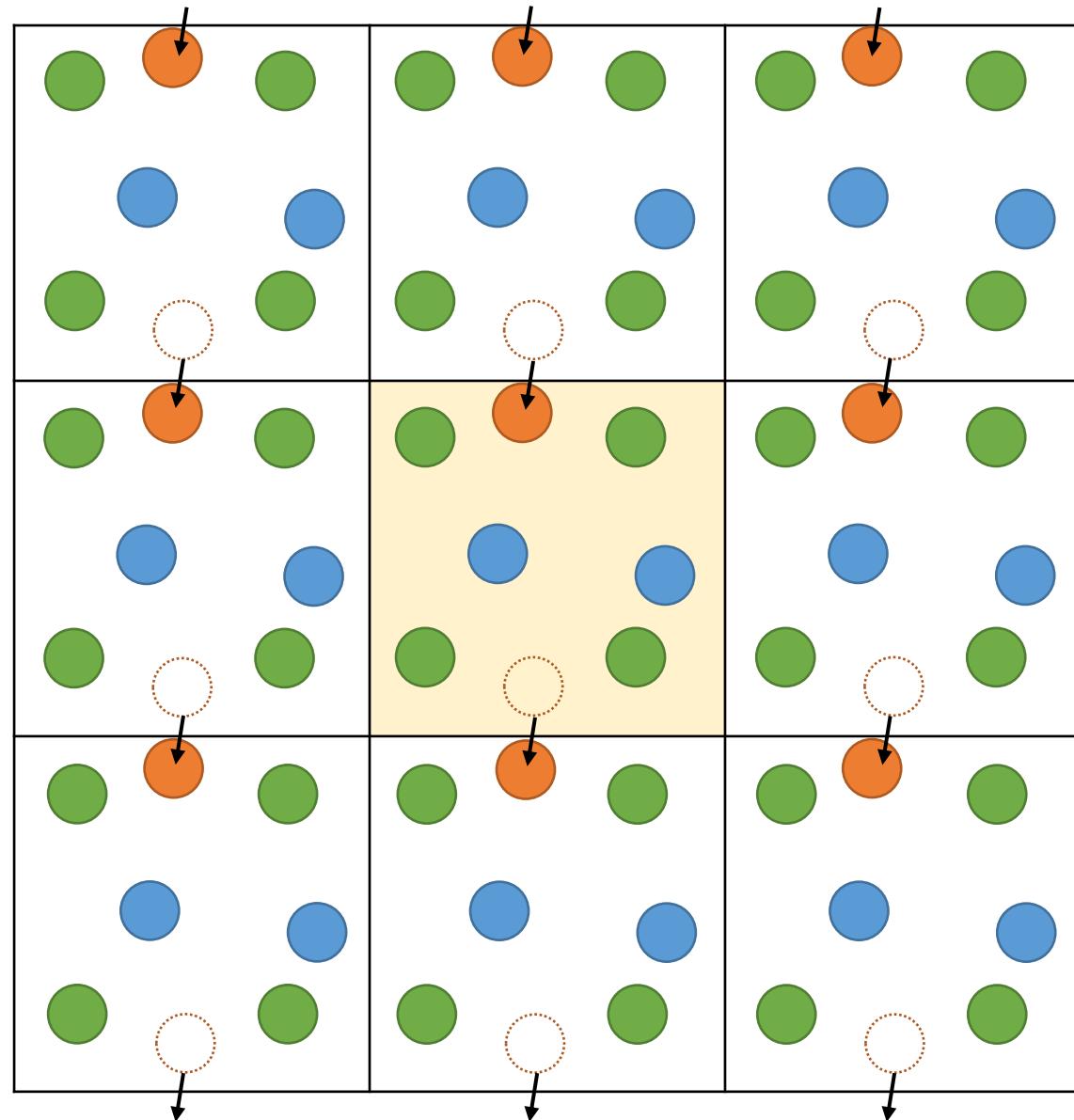
# Caixa de Simulação



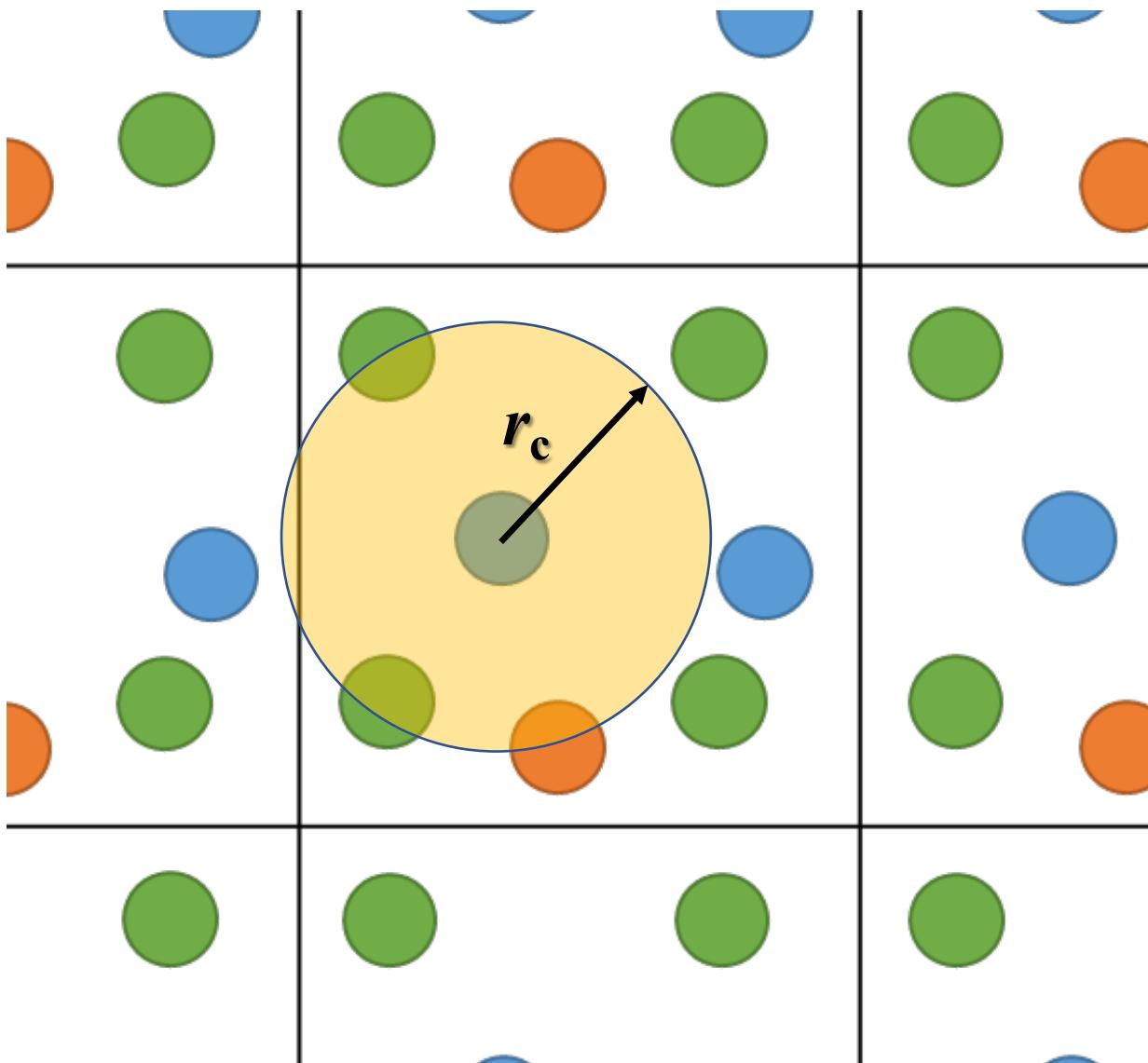
# Condições Fronteira



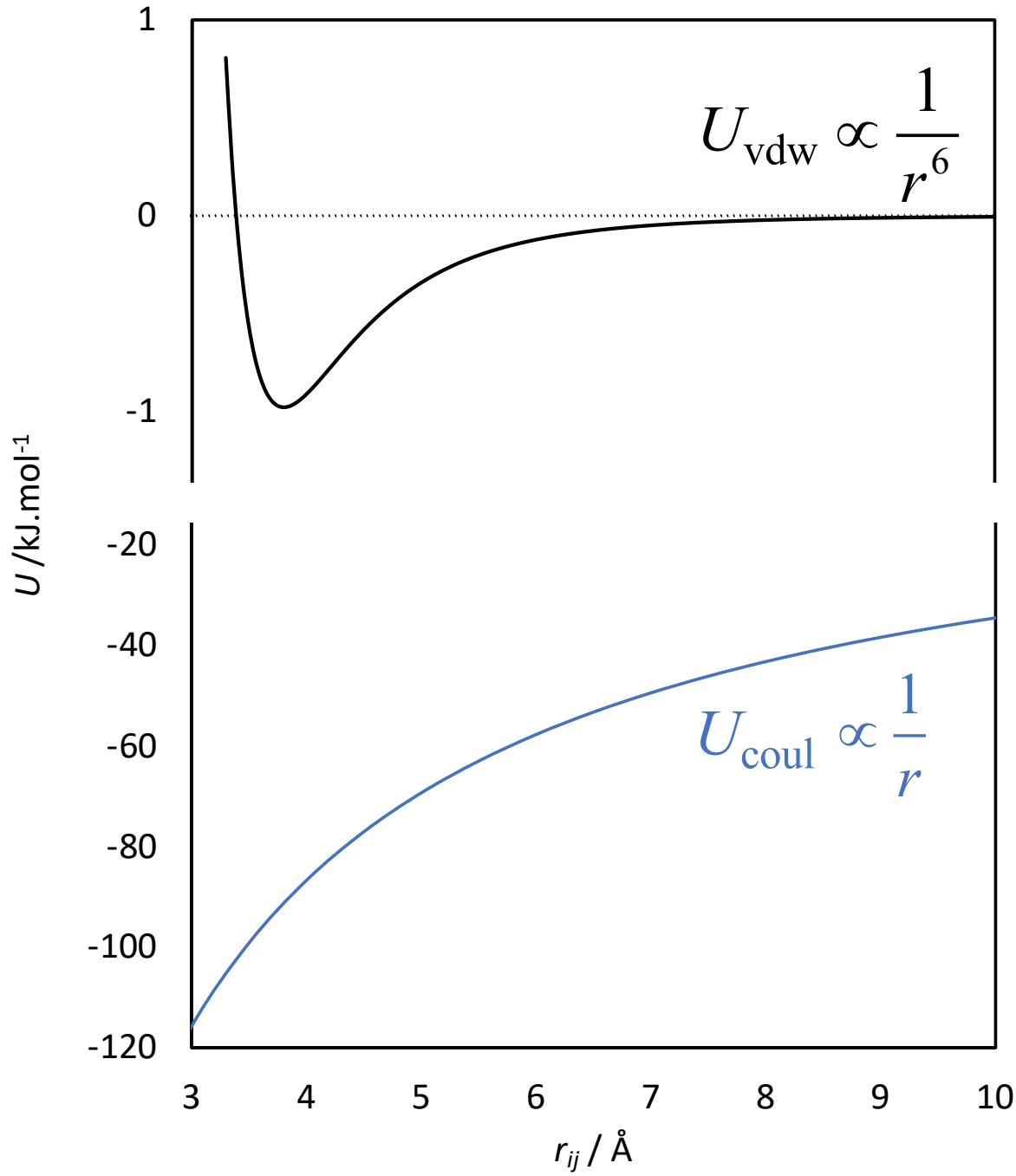
# Condições Fronteira



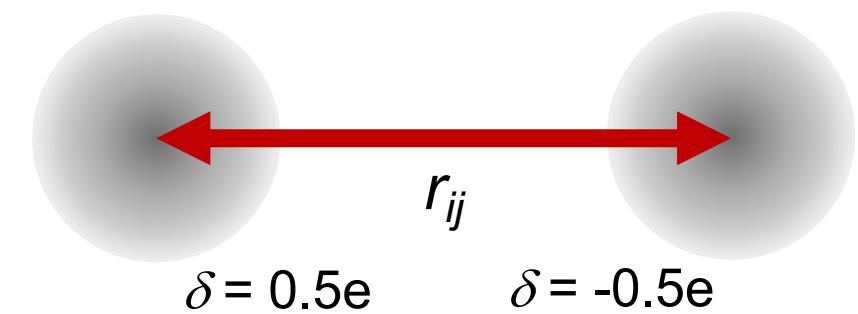
# Raio de Corte



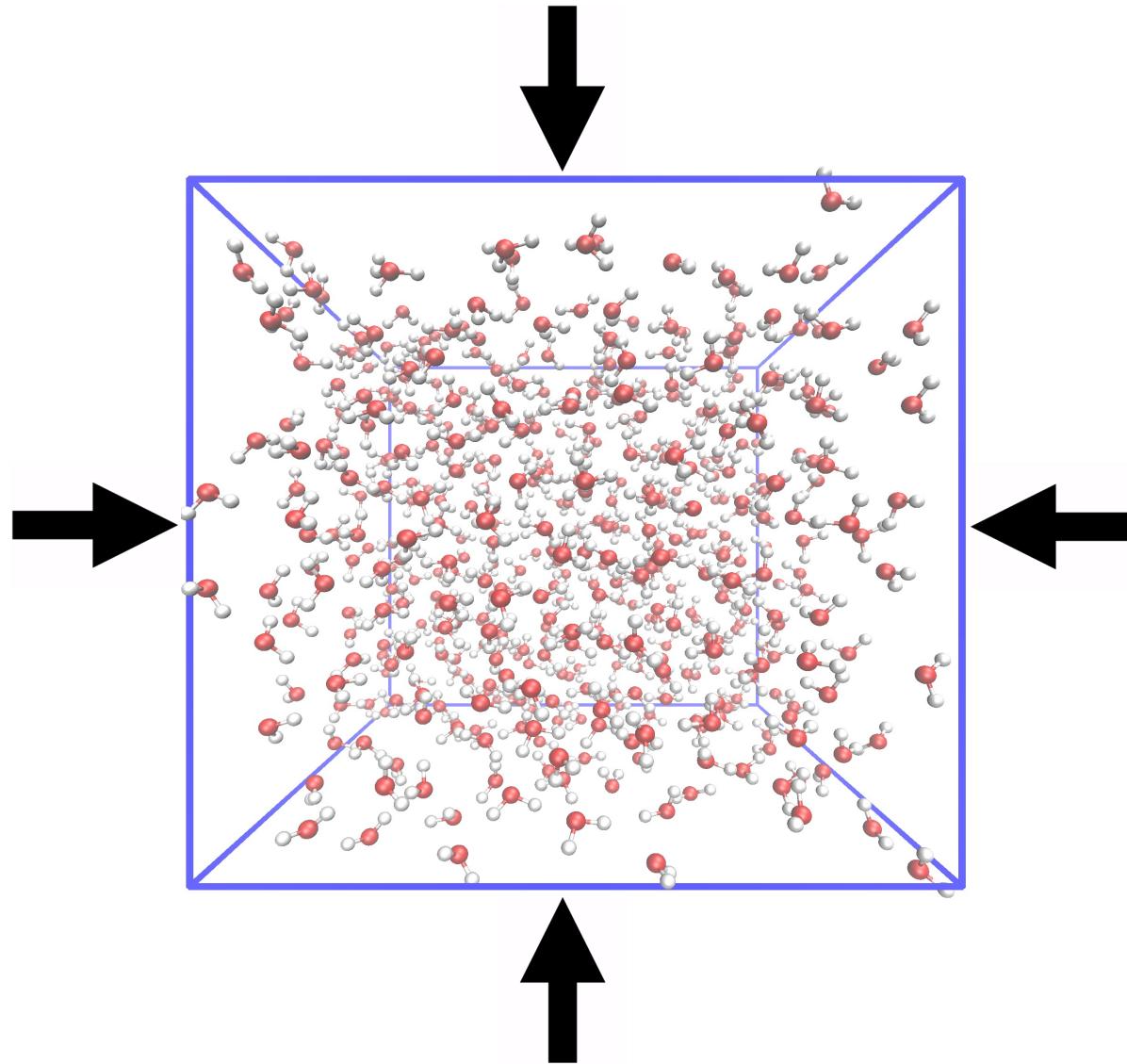
$$r_c < \frac{l_{caixa}}{2}$$



$$\sigma = 3.39 \text{ \AA}$$
$$\varepsilon = 0.9769 \text{ kJ.mol}^{-1}$$



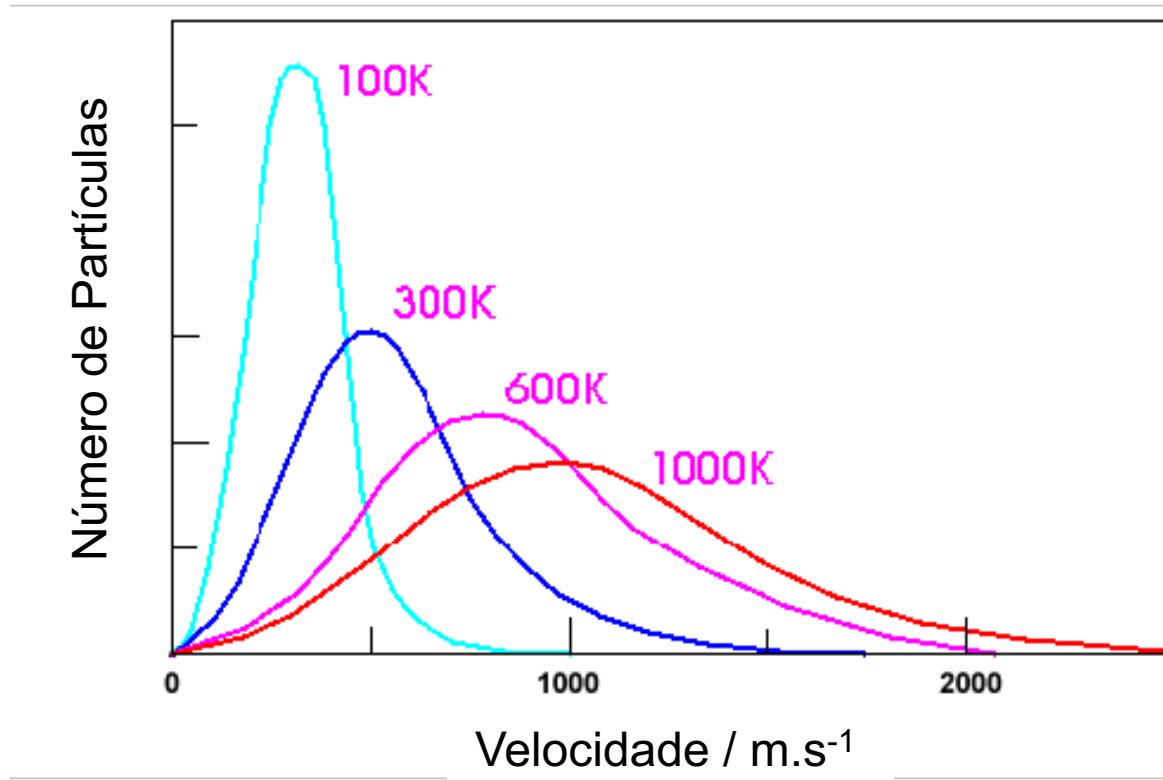
# Baróstatos e Termostatos



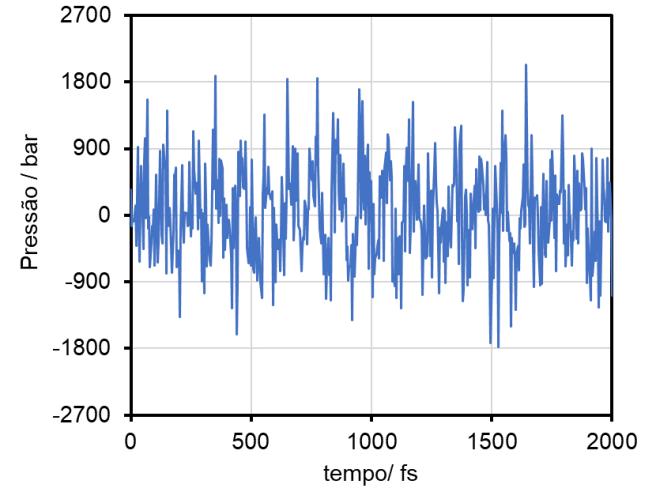
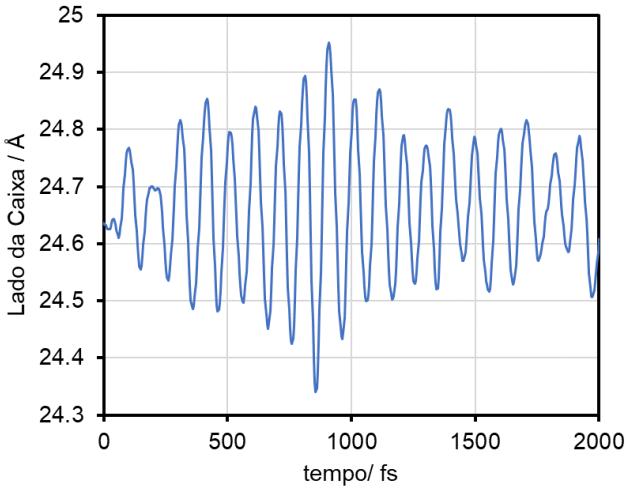
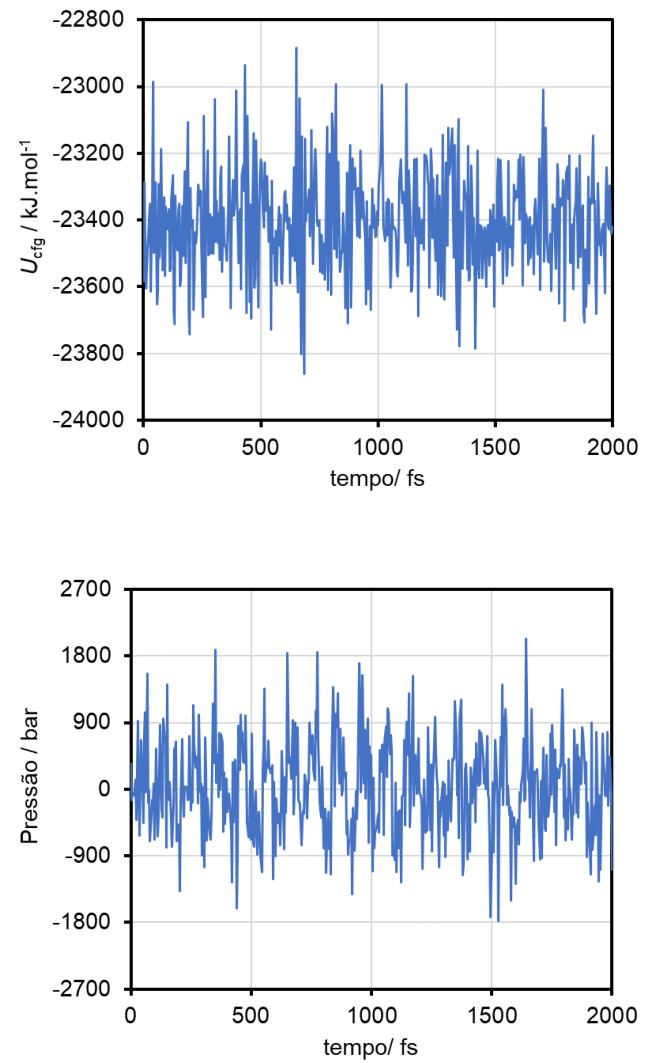
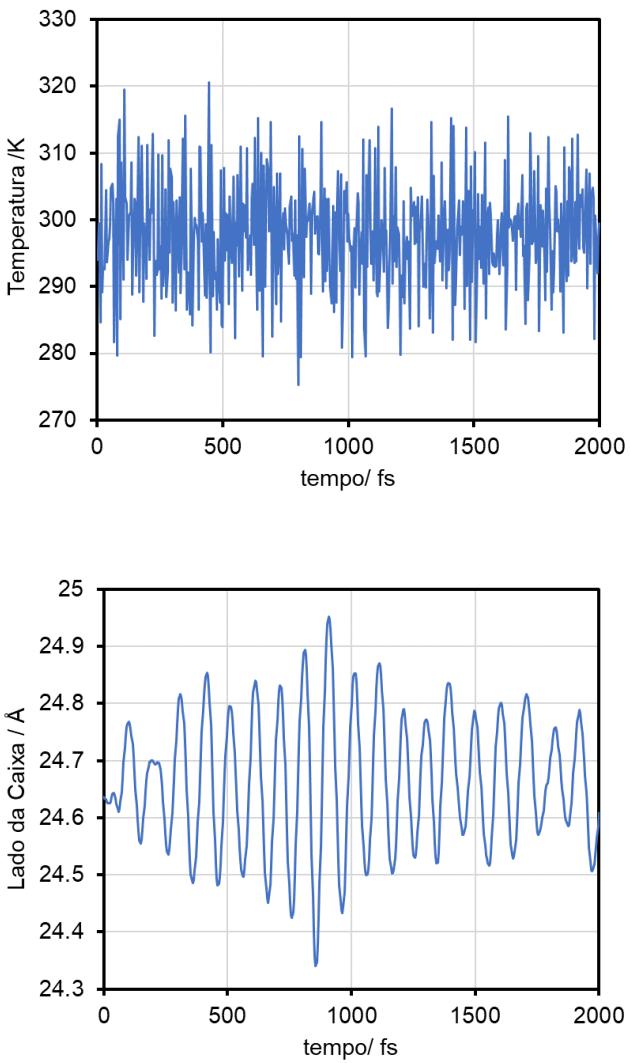
# Baróstatos e Termostatos

$$T = \frac{E_k}{k_b}$$

$$E_k = \frac{1}{2}mv^2$$



# Propriedades Médias

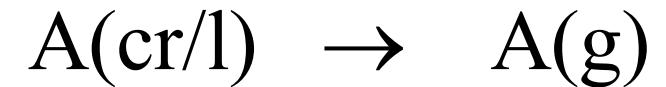


# Validação de Campos de Força

1. Comparação de dados volumétricos (por exemplo, densidade de líquidos ou de sólidos)

$$\rho = \frac{m}{V}$$

2. Dados de energia de rede ou coesão (por exemplo, energia de sublimação ou vaporização)



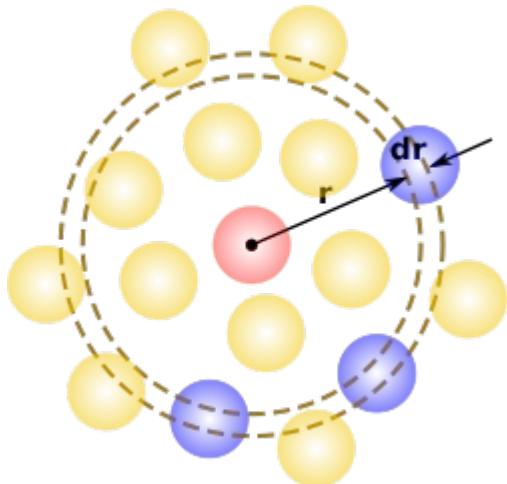
$$\Delta_{\text{sub/vap}} U = U(\text{g}) - U(\text{cr/l})$$

3. Dados espectroscópicos (por exemplo, espetros de infravermelhos e de NMR)

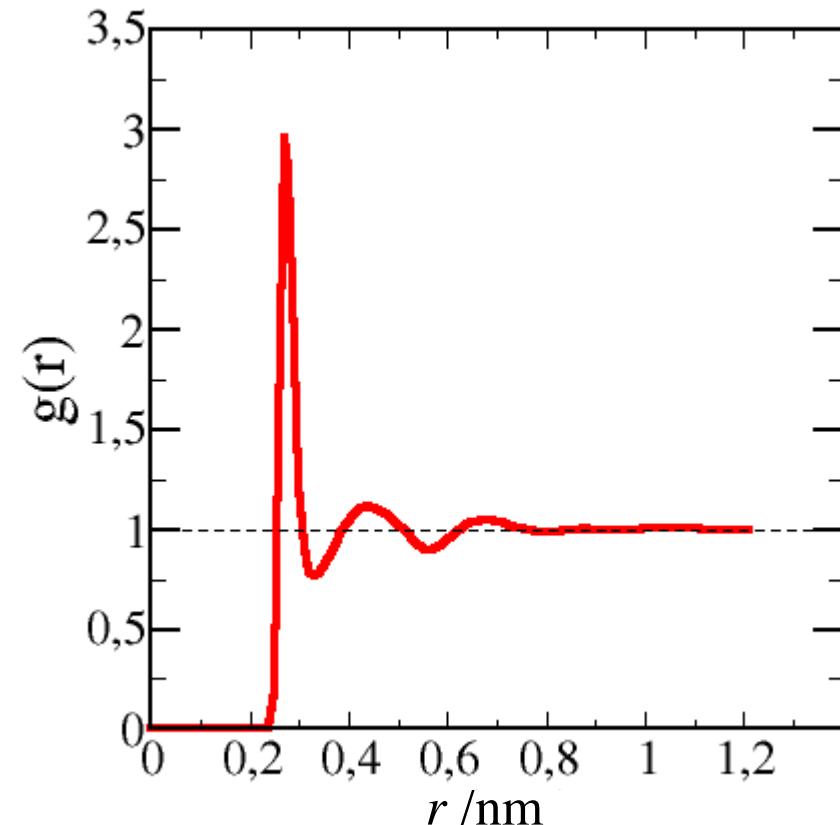
Analise conformacional de Moléculas

# Que tipo de Estudos se Podem Fazer com DM

1. Determinação de propriedades estáticas: estrutura de substâncias e matérias, previsão de propriedades energéticas, e **Funções de Distribuição Radiais (RDFs)**

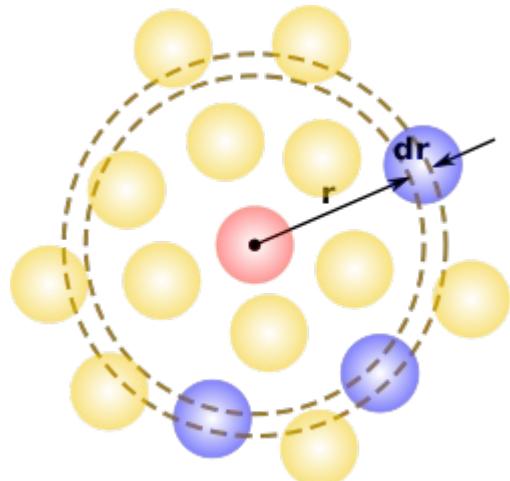


$$g(r) = \frac{1}{N} \frac{dn(r)}{4\pi^2 dr \rho}$$

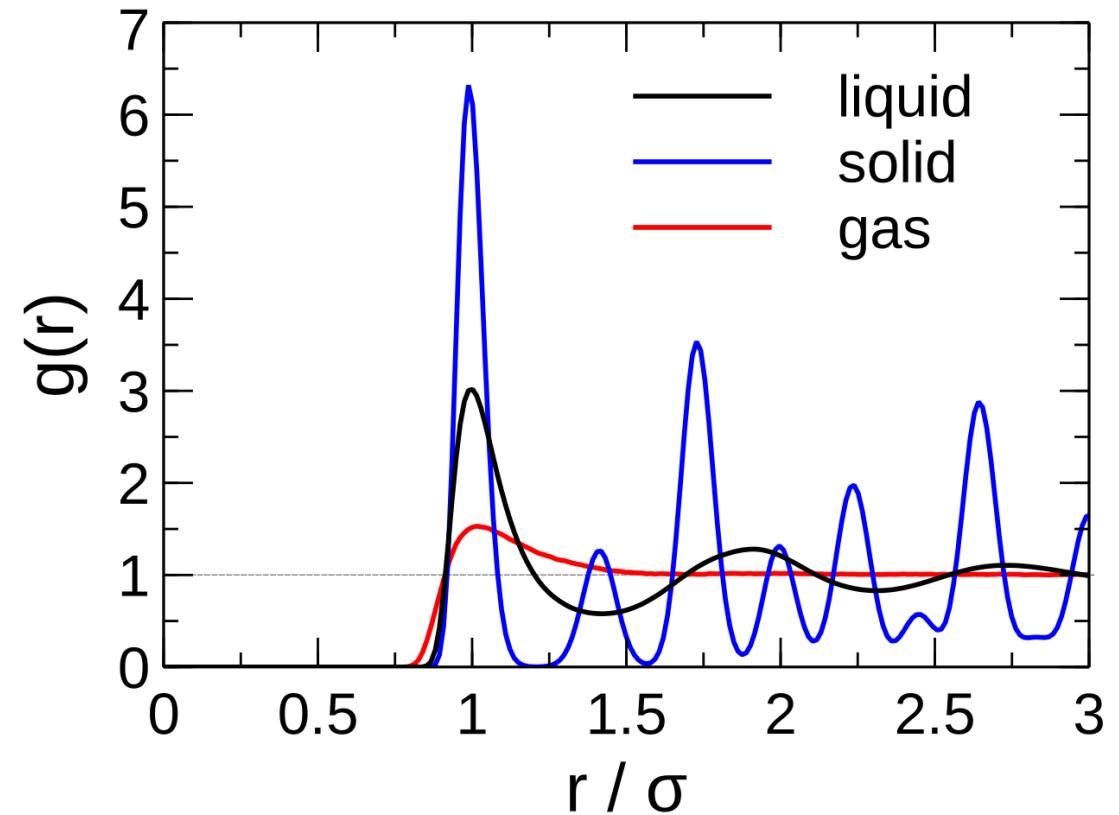


# Que tipo de Estudos se Podem Fazer com DM

1. Determinação de propriedades estáticas: estrutura de substâncias e matérias, previsão de propriedades energéticas, e **Funções de Distribuição Radiais (RDFs)**



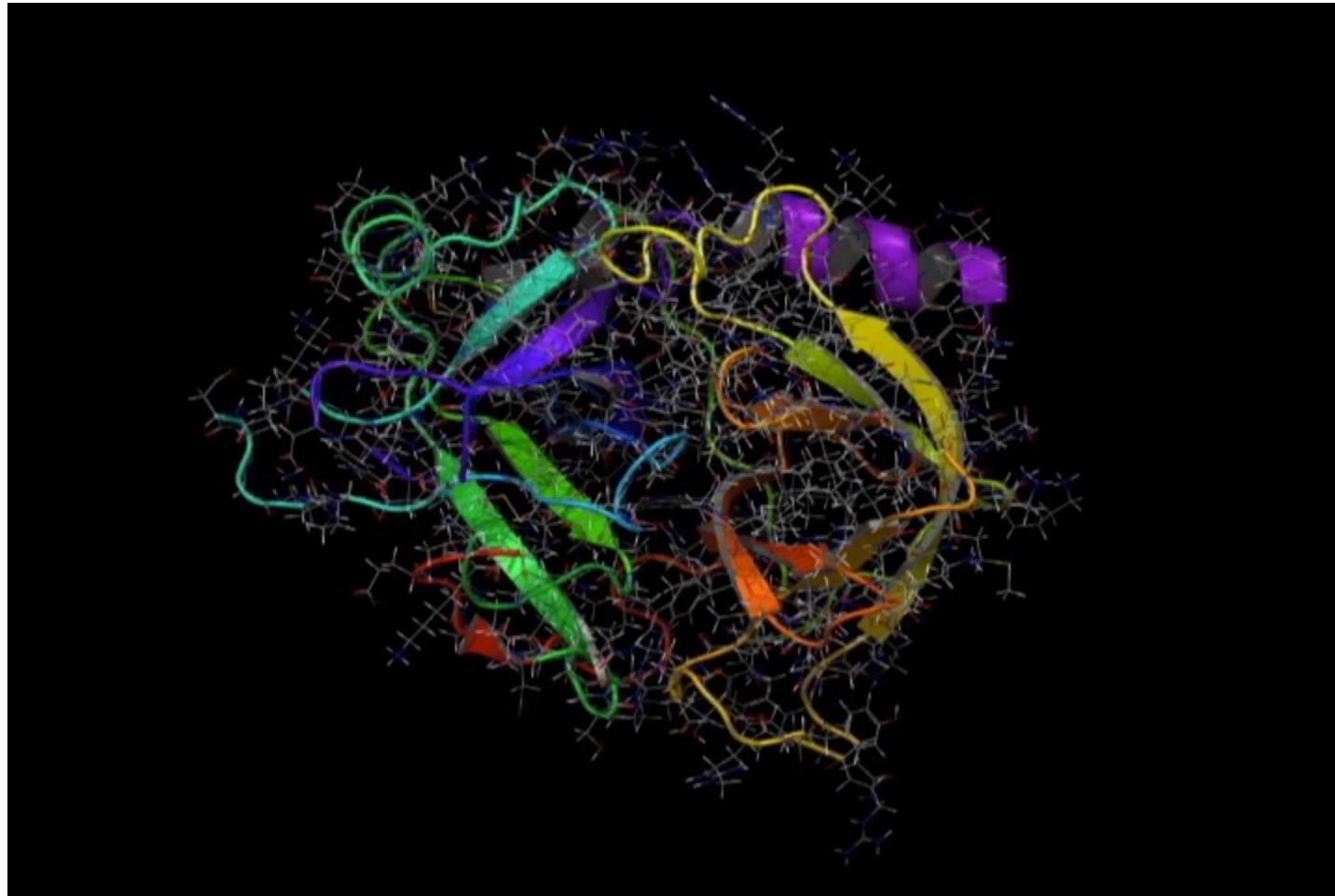
$$g(r) = \frac{1}{N} \frac{dn(r)}{4\pi r^2 dr \rho}$$



# **Que tipo de Estudos se Podem Fazer com MD**

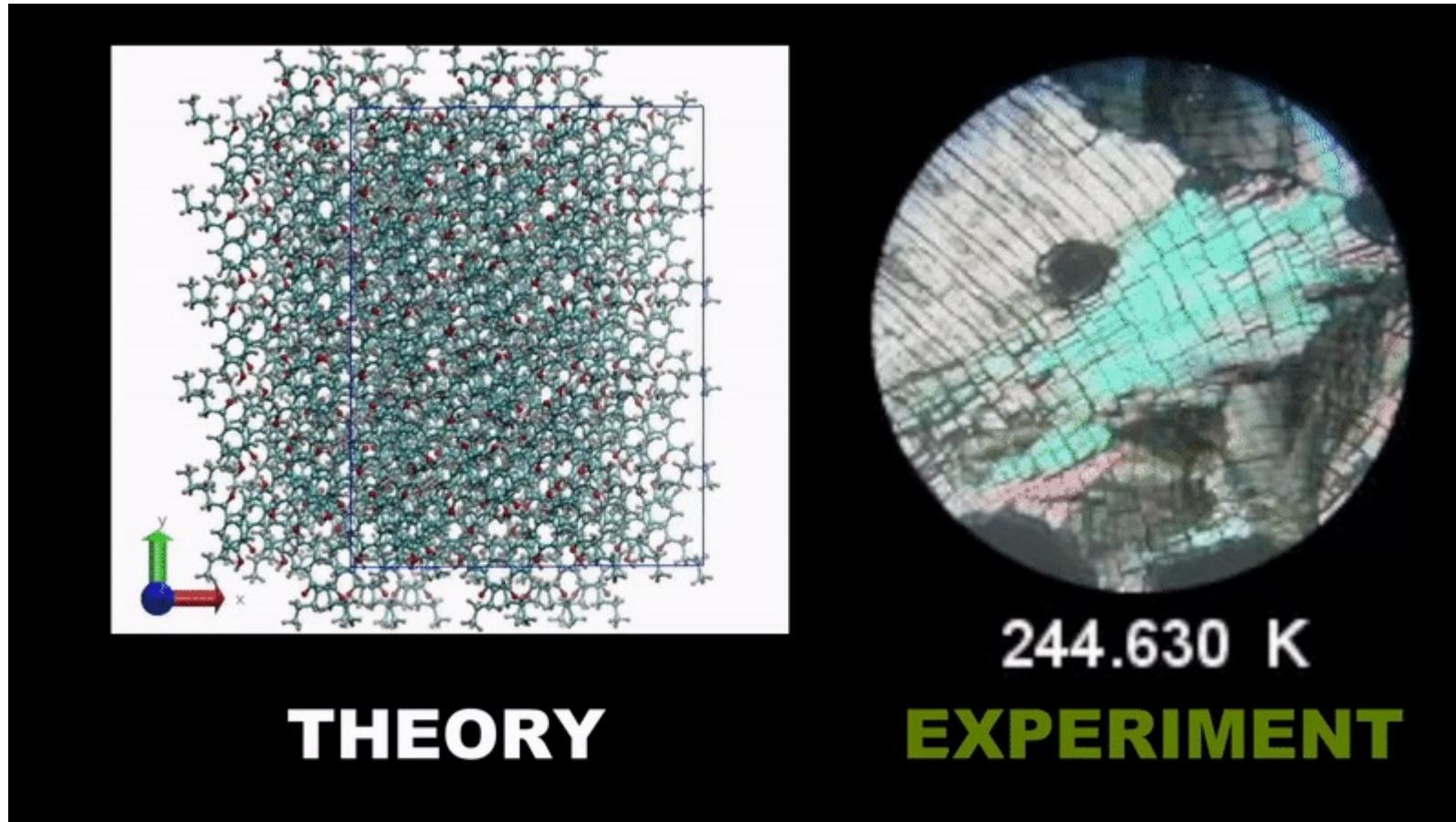
1. Determinação de propriedades estáticas: estrutura de substâncias e matérias, previsão de propriedades energéticas.
2. Determinação de propriedades dinâmicas usando funções de autocorrelação, como por exemplo, de velocidades (coeficientes de difusão) e de tensão (viscosidades).
3. Estudar o comportamento da matéria.

# Que tipo de Estudos se Podem Fazer com DM

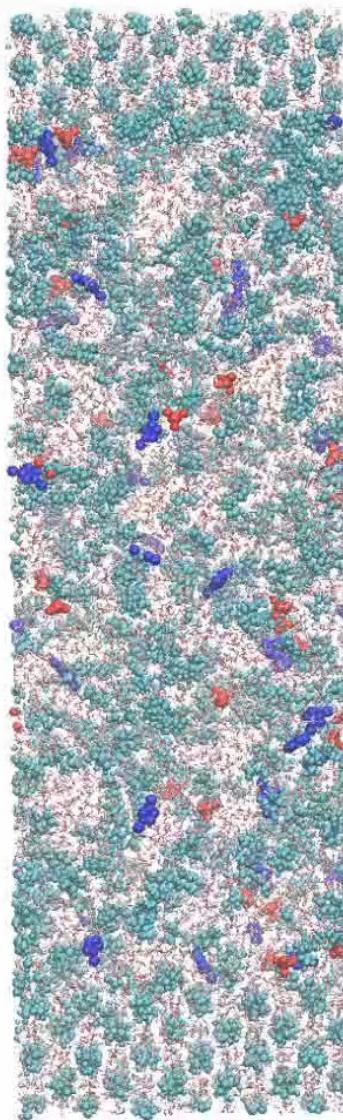
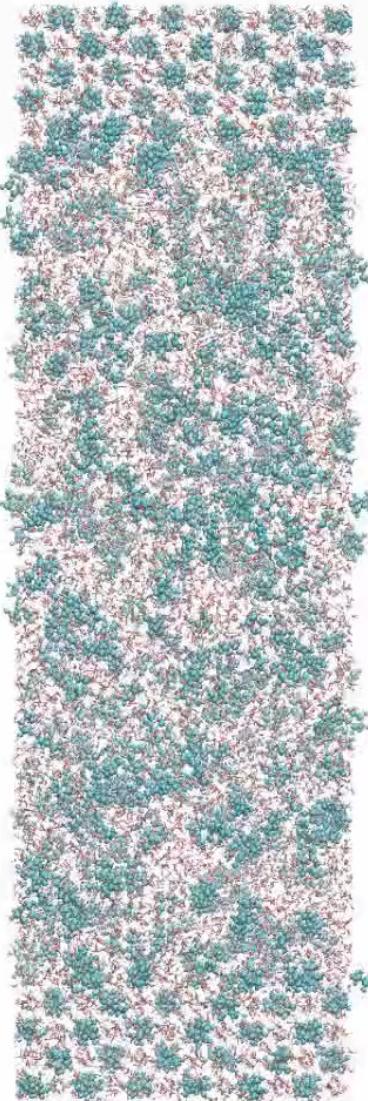


<https://www.youtube.com/watch?v=TTtrk0Ue-Cg>

# Que tipo de Estudos se Podem Fazer com DM



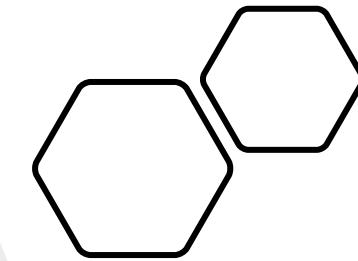
# Que tipo de Estudos se Podem Fazer com DM



0.0  $\mu\text{s}$

# GROMACS

FAST. FLEXIBLE. FREE.



**Tabela 1.** Parâmetros dos modelos SPC/E (“Simple Point Charge/Extended”) e TIP3P (“Transferable Intermolecular Potentials with 3 Points”) para a água.

Interação	$\sigma_{\text{oo}} / \text{\AA}$	$\varepsilon_{\text{oo}} / \text{kJ} \cdot \text{mol}^{-1}$	$r_{\text{OH}} / \text{\AA}$ <sup>a</sup>	$\theta_{\text{HOH}} / \text{deg}$ <sup>b</sup>	$q_{\text{O}} / e$	$q_{\text{H}} / e$
<b>SPC/E</b>						
O–O	3.166	0.650	1.00	109.47	-0.8476	+0.4238
O–H	0.0	0.0				
H–H	0.0	0.0				
<b>TIP3P</b>						
O–O	3.1507	0.6364	0.9572	104.52	-0.834	+0.417
O–H	0.0	0.0				
H–H	0.0	0.0				

<sup>a</sup> comprimento da ligação O–H da molécula de água. <sup>b</sup> angulo H–O–H da molécula de água. Para comparação, os valores experimentais do comprimento de ligação O–H e do ângulo H–O–H da molécula isolada (monómero no gás) são, respetivamente, 0.9572 Å e 104.52°.

# Ficheiros de Input do GROMACS

Ficheiro de Coordenadas

SCPE

1500

1h2o_s	OWE	1	2.088	2.023	0.899	0.2100	-0.0045	-0.4466
1h2o_s	HWE	2	1.988	2.026	0.911	-0.0045	-1.0858	-1.7268
1h2o_s	HWE	3	2.132	2.061	0.980	-1.2329	-0.4541	0.5925
2h2o_s	OWE	4	2.170	2.276	2.403	-0.4659	-0.2750	0.2514
2h2o_s	HWE	5	2.122	2.344	2.457	-0.0947	0.1043	0.1147
2h2o_s	HWE	6	2.111	2.197	2.388	-1.2760	0.4519	-0.4728
3h2o_s	OWE	7	1.129	0.960	1.098	-0.4827	0.0868	-0.0531
3h2o_s	HWE	8	1.084	0.923	1.179	-1.6371	0.0556	-0.6871
3h2o_s	HWE	9	1.221	0.920	1.089	-0.1212	0.4974	1.5223

.....

499h2o_s	OWE	1495	2.382	0.275	2.353	-0.0572	-0.3585	0.2819
499h2o_s	HWE	1496	2.475	0.279	2.387	-0.2517	-1.2074	0.9430
499h2o_s	HWE	1497	2.374	0.202	2.285	-0.3357	-0.5711	0.5401
500h2o_s	OWE	1498	0.809	2.151	0.162	0.0165	-0.1365	-0.4896
500h2o_s	HWE	1499	0.906	2.173	0.153	-0.3709	1.4959	-0.9270
500h2o_s	HWE	1500	0.757	2.197	0.089	-1.0220	-1.5051	-0.6578
			2.46088	2.46088	2.46088			

# Ficheiros de Input do GROMACS

## Ficheiro de Topologia

```
[ defaults ]
; nbfunc    comb-rule    gen-pairs    fudgeLJ fudgeQQ
1          2      yes        0.5000 0.5000

[ atomtypes ]
;name  at.num   mass   charge  ptype   sigma   epsilon
OWE     8 15.99900 -0.84760   A  0.31660  0.65314
HWE     1  1.00800  0.42380   A  0.00000  0.00000

[ moleculetype ]
; Name      nrexcl
h2o_spcE      3

[ atoms ]
;  nr   type  resnr residue  atom   cgnr  charge   mass
  1   OWE      1 h2o_spcE  OWE      1 -0.84760 15.99900
  2   HWE      1 h2o_spcE  HWE      2  0.42380  1.00800
  3   HWE      1 h2o_spcE  HWE      3  0.42380  1.00800
```

```
[ constraints ]
;  at1  at2  funct      ro
  1    2    1  0.10000000
  1    3    1  0.10000000
  2    3    1  0.16329800

[ system ]
; Name
H2O

[ molecules ]
; Compound      #mols
h2o_spcE      500
```

# Ficheiros de Input do GROMACS

## Ficheiro de Controlo

```
; Run parameters
integrator          = md
nsteps              = 100000
dt                  = 0.002

; Output control
nstxout-compressed = 100
nstenergy           = 100
nstlog               = 100
nstcomm              = 5000

; Bond parameters
continuation        = yes
constraint_algorithm = lincs
constraints          = H-bonds
lincs_iter           = 1
lincs_order          = 4

; Neighborsearching
cutoff-scheme       = Verlet
ns_type              = grid
nstlist              = 10
rcoulomb             = 1.0
rvdw                 = 1.0

; Electrostatics & Dispersion correction
coulombtype         = PME
vdw-type             = Cut-off
fourierspacing      = 0.10
pme_order            = 4
ewald-rtol           = 1e-7
ewald-geometry       = 3d
epsilon-surface      = 0
DispCorr              = EnerPres

; Temperature coupling for production
tcoupl                = nose-hoover
tc-grps                = System
tau_t                  = 5.0
ref_t                  = 298.15

; Pressure coupling for production
ref_p                  = 1.0
pcoupl                = Parrinello-Rahman
pcoupltype             = isotropic
tau_p                  = 20.0
compressibility        = 4.5e-5
refcoord_scaling        = com

; Periodic boundary conditions
pbc                   = xyz

; Velocity generation
gen_vel                = no
gen_temp                = 300
gen_seed                = 123456
```